

Table S1: All primer sequences are given in 5' to 3' direction. F and R stand for forward and reverse primer respectively and RT stands for primer for Reverse transcription.

<b>Name</b>	<b>Sequence</b>
<i>ATO1</i> -F	GGCTGAAGTGAAGGAGTTGG
<i>ATO1</i> -R	GTAGACGGGATGCTCTCTCG
<i>CTNIB1</i> -F	TCTGGCTGTCTTTCAGATT
<i>CTNIB1</i> -R	CTCTCTTTTCTTCACCACAAC
<i>C9orf3</i> -F	GACAGTTAAGTTGGAGCCGC
<i>C9orf3</i> -R	GGGTCAAGTGGTCTCTCATC
<i>GABRE</i> -F	ACTCCGCCATCCTCGTATC
<i>GABRE</i> -R	CTTCCCTCAGTGGTGACAATC
<i>GAPDH</i> -F	TGCACCACCAACTGCTTAGC
<i>GAPDH</i> -R	GGCATGGACTGTGGTCATGAG
<i>GRM8</i> -F	TCTGGCGTCATAGGTGCTGC
<i>GRM8</i> -R	TCACTTAGCTCTGGGGCTGT
<i>KHDRBS2</i> -F	CTGGTTCCTGACTACAATGATG
<i>KHDRBS2</i> -R	TCCCTCTGCCTCTAATACCTC
<i>LEMD1</i> -F	ATGGTGGATGTGAAGTGTCTG
<i>LEMD1</i> -R	TTTCTGGTGGAAAGGTAGTATTGG
<i>MYCN</i> -F	CAAGGCCCTCAGTACCTCCG
<i>MYCN</i> -R	CGCCGCTTCTCCACAGTGAC
<i>TRPM3</i> -F	CCCAGAATCAGTGCTCAGGC
<i>TRPM3</i> -R	CTATCAGACGCCACAGCAA
<i>WIF1</i> -F	CCTGCCATGAACCCAACAATGCC
<i>WIF1</i> -R	GAGGCTGGCTTCGTACCTTTTATTGC
<i>miR-23b</i> -F	GAACGGATCACATTGCCAGGG
<i>miR-23b</i> -RT	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGTATTCGCACTGGATACGACGGTAAT
<i>miR-23b</i> -R	GTGCAGGGTCCGAGGT